Stop it

내가 필요한
연구 데이터베이스를 만들다

논문 수집부터 분석과 결과 보관까지



팀 Stop it　이관도

필요한 자료를 모아, 내 연구에 다시 씁니다

01

논문다운로더

모으기

02

PaperLens

읽고 정리하기

03

Stop it

계산하고 보관하기

논문 · 그래프 · 실험 결과가 쌓이는 개인 데이터베이스

AI와 만들고, 연구자가 확인합니다

ChatGPT

코딩 · 데이터 분석 · 하위 에이전트
OpenAI API 연동

Claude

코드와 해석 교차 검토

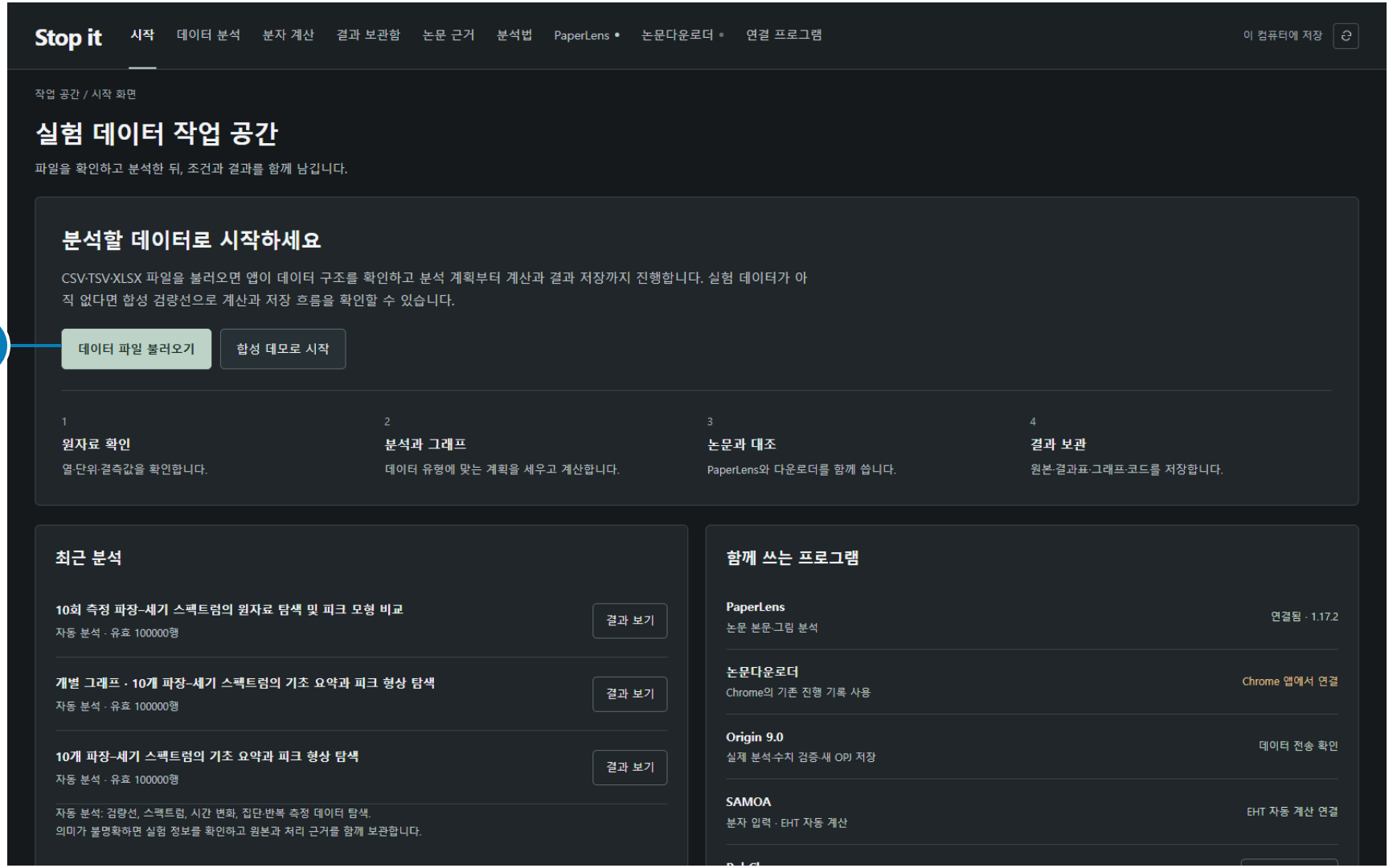
사용자 검토와 승인

단위 · 가정 · 결과의 과학적 타당성

01

파일에서 시작합니다

데이터 불러오기
열과 단위 확인

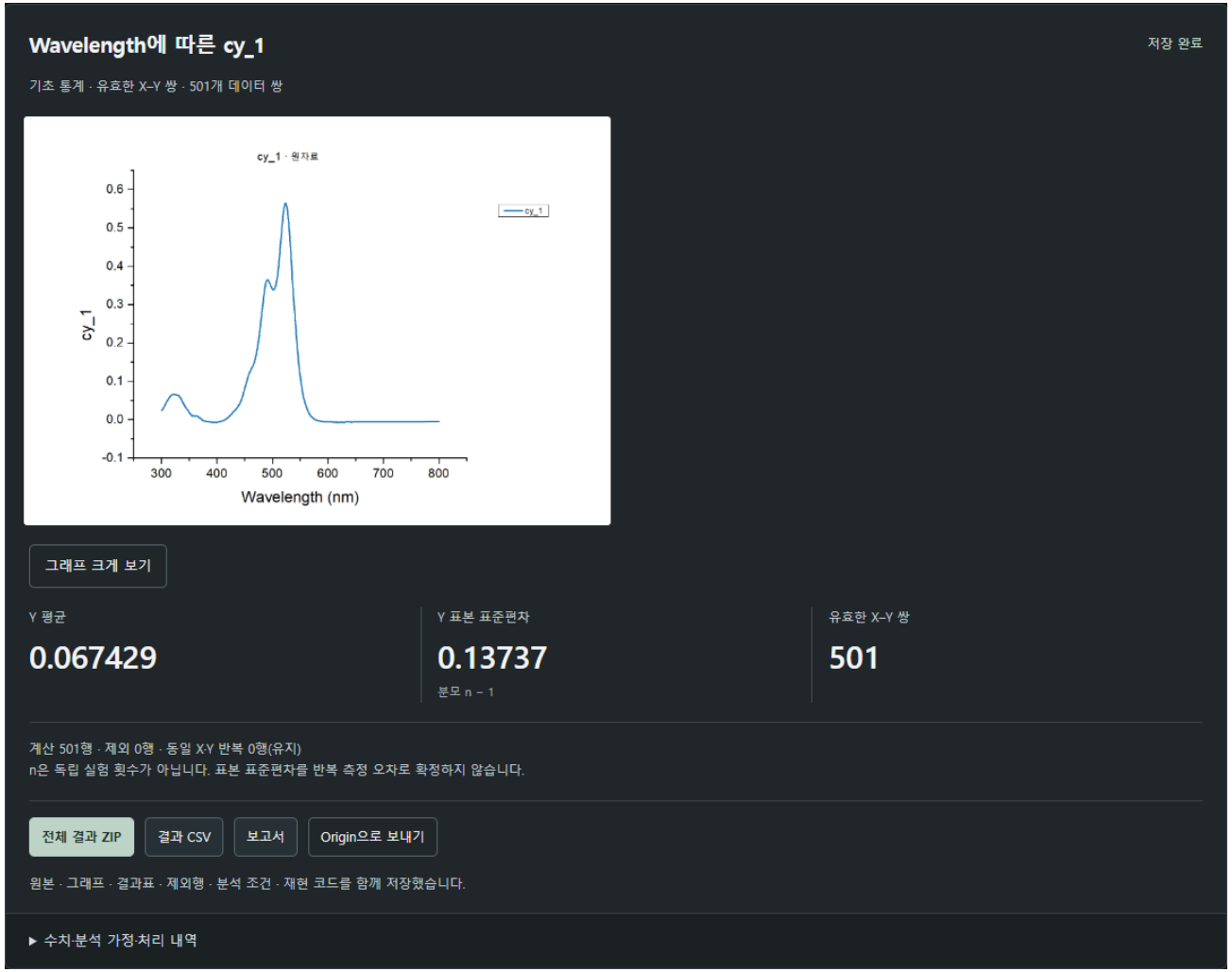


02

그래프와 기록을 함께 남깁니다

16.79초

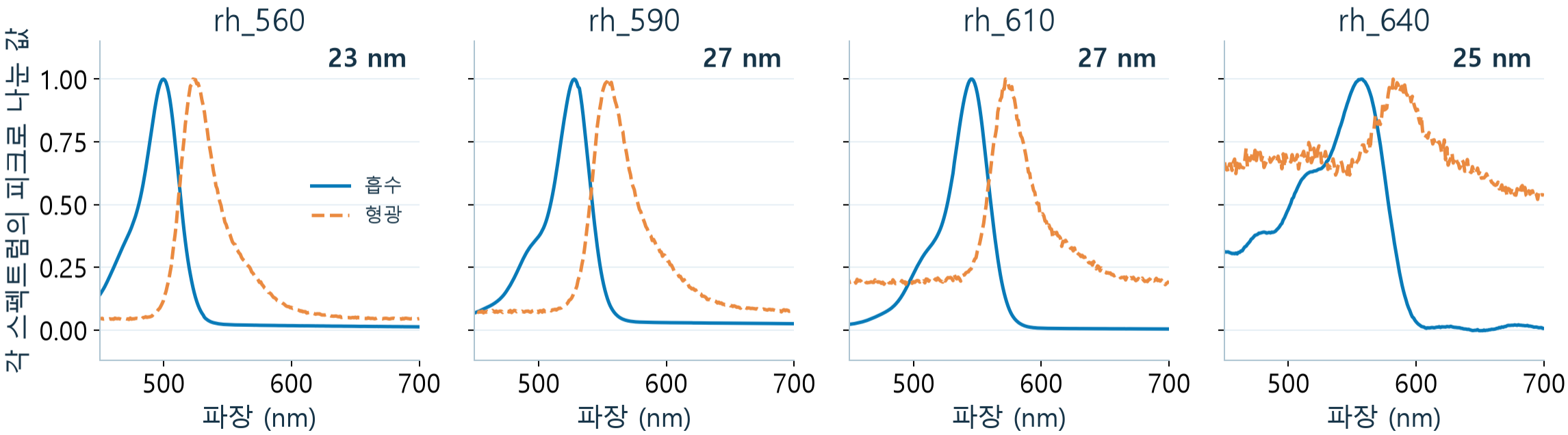
cy_1 501점 로컬 요약
1 그래프 확인 2 ZIP 저장



실제 실험 원자료로 실행한 한 번의 측정값. AI 계획 시간은 포함하지 않았습니다.

흡수와 형광의 차이를 한눈에 비교합니다

실제 로다민 4개 시료

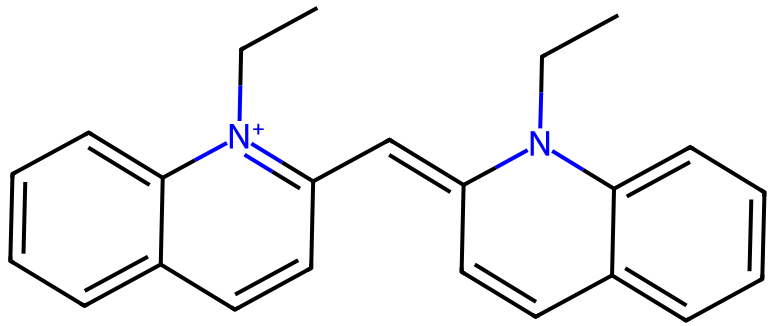


원자료 피크 기준 비교. PL 파장 단위는 nm로 가정 · 각 스펙트럼의 최대값으로 정규화

rh_640은 신호와 배경을 추가 확인해야 합니다. 보고서의 다른 실험 수치를 사용하지 않았습니다.

구조를 확인하고, 분자 궤도를 계산합니다

시아닌 양이온 · 대표 구조 시연



HOMO–LUMO

1.6133 eV

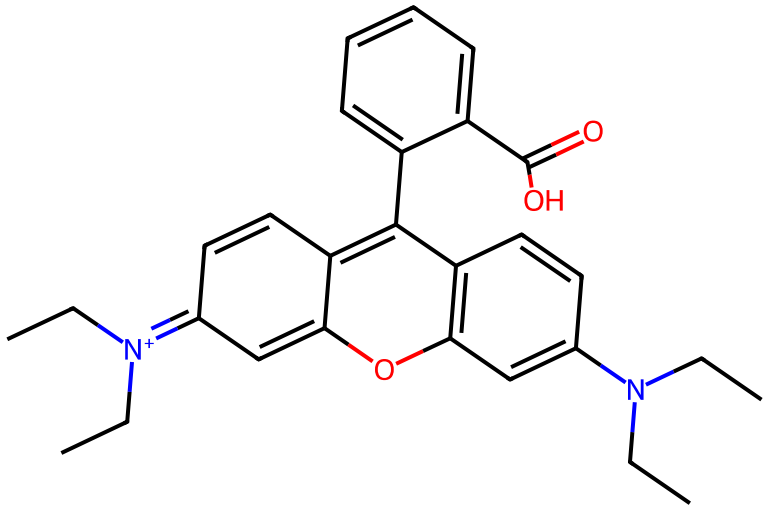
최고 점유 궤도 / 최저 비점유 궤도



확장 휘켈법(EHT) · +1 양이온 · 단일항 · 용매 미포함. 궤도 간격은 측정 흡수 에너지가 아닙니다.

다른 분자도 같은 과정으로 확인합니다

Rhodamine B 양이온 · 대표 구조 시연



HOMO–LUMO

1.7447 eV

좌표 · 에너지 · 궤도 파일 함께 보관



확장 휘켈법(EHT) · +1 양이온 · 단일항 · 대이온 제외. 실제 실험 시료와의 동일성은 미확인입니다.

계산과 저장에 걸린 시간을 남깁니다

실험 데이터

16.79 초

요약 · Origin 그래프 · 저장

시아닌

2.77 초

EHT 계산 · 두 궤도 격자

Rhodamine B

2.37 초

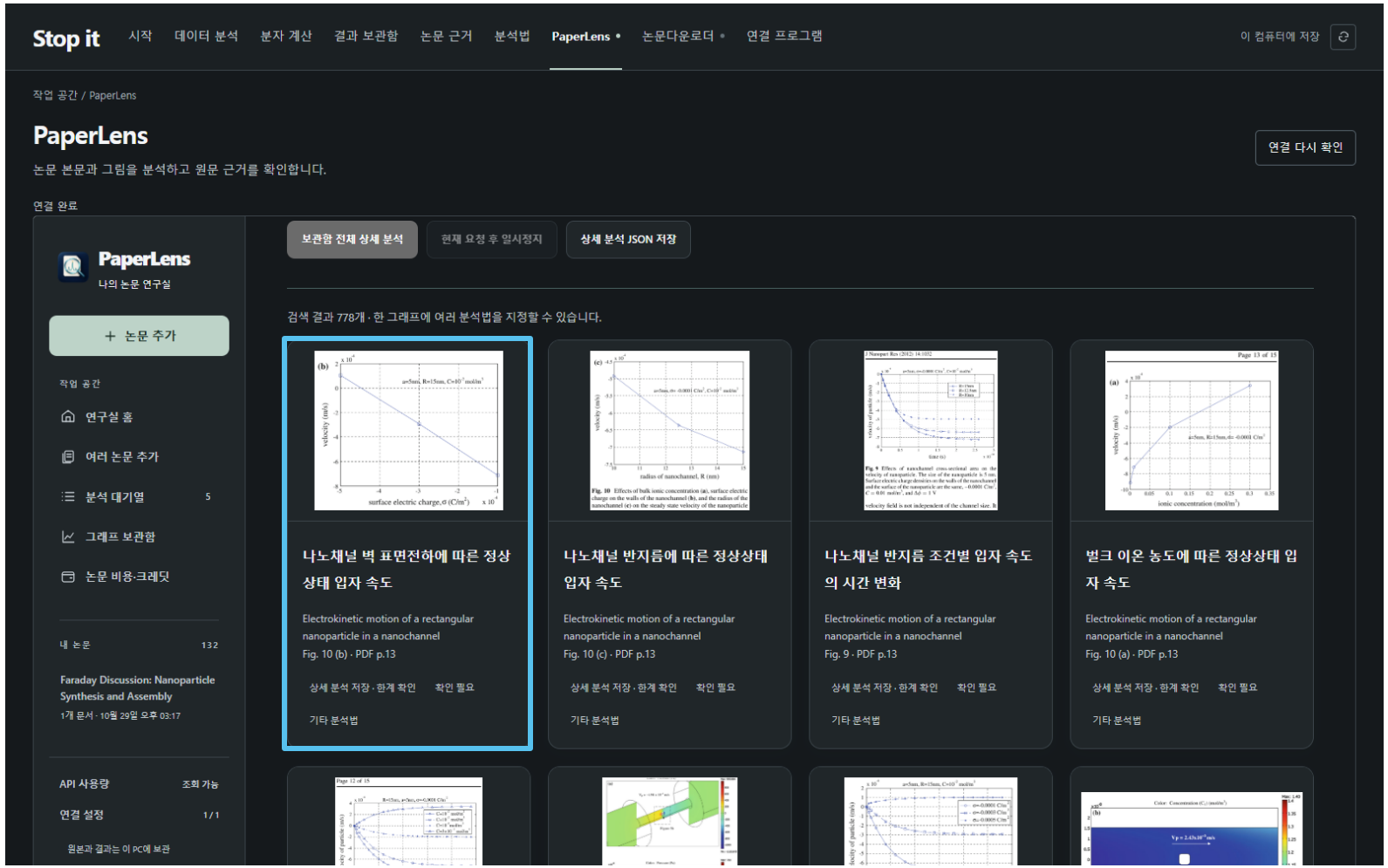
EHT 계산 · 두 궤도 격자

동일 PC의 각 1회 실행값. 입력·검토·구조 준비 시간 제외. 연구자 수작업 대비 배수는 아직 측정하지 않았습니다.

논문과 그림을
내 자료로
다시 찾습니다

PaperLens

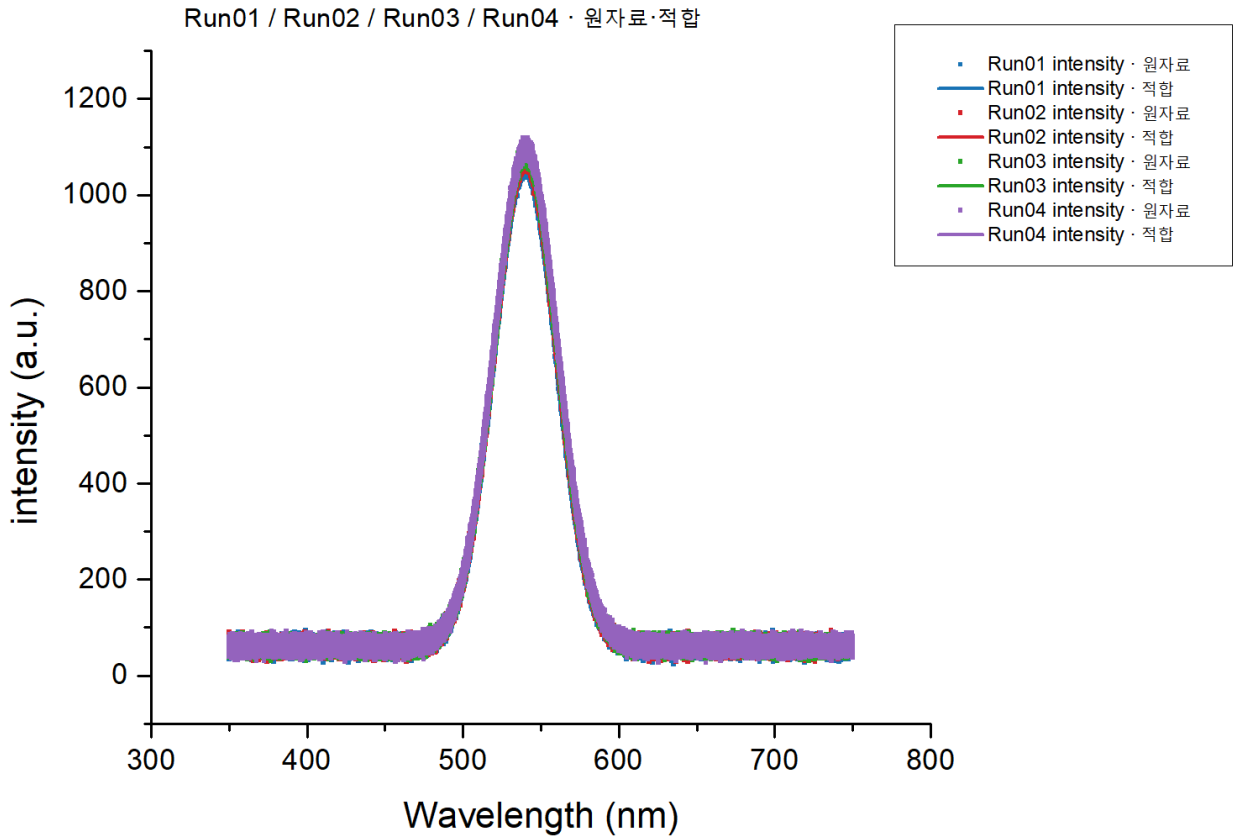
원문과 Figure 확인
분석법별 검색
내 데이터베이스에 보관



10만 점
× 10계열

대량의 데이터도
같은 흐름으로

전점 적합 6.27초



2026.10.27 합성 스펙트럼 시험. Origin 그래프 6개와 저장을 포함한 전체 과정은 약 197초였습니다.

내가 필요한 연구 도구를,
나에게 맞게 바꿀 수 있도록

배포 버전 준비

내 데이터베이스 구축

하위 프로그램 연결

코딩 비전공자도 GPT와 함께 수정하고 확장하는 방식

무료 GPT의 코드 수정 도움과 유료 API 자동 분석은 구분됩니다. Origin은 별도 라이선스가 필요합니다.